



ARTIGO ORIGINAL

Prenatal mold exposure is associated with development of atopic dermatitis in infants through allergic inflammation[☆]



Eun Lee ^{ID a}, Kil Yong Choi ^{ID b}, Mi-Jin Kang ^{ID c}, So-Yeon Lee ^{ID d}, Jisun Yoon ^{ID e}, Hyun-Ju Cho ^{ID f}, Sungsu Jung ^{ID d}, Si Hyeon Lee ^{ID c}, Dong In Suh ^{ID g}, Youn Ho Shin ^{ID h}, Kyung Won Kim ^{ID i}, Kangmo Ahn ^{ID j} e Soo-Jong Hong ^{ID d,*}

^a Chonnam National University Hospital, Chonnam National University Medical School, Department of Pediatrics, Gwangju, Coreia do Sul

^b Pusan National University, Department of Environmental Engineering, Busan, Coreia do Sul

^c University of Ulsan College of Medicine, Asan Institute for Life Sciences, Seoul, Coreia do Sul

^d University of Ulsan College of Medicine, Childhood Asthma and Atopy Center, Department of Pediatrics, Seoul, Coreia do Sul

^e Mediplex Sejong Hospital, Department of Pediatrics, Incheon, Coreia do Sul

^f International St. Mary's Hospital, Catholic Kwandong University, Department of Pediatrics, Incheon, Coreia do Sul

^g Seoul National University College of Medicine, Department of Pediatrics, Seoul, Coreia do Sul

^h CHA Medical Center, CHA University School of Medicine, Department of Pediatrics, Seoul, Coreia do Sul

ⁱ Severance Children's Hospital, College of Medicine, Yonsei University, Department of Pediatrics, Seoul, Coreia do Sul

^j Sungkyunkwan University School of Medicine, Samsung Medical Center, Department of Pediatrics, Seoul, Coreia do Sul

Recebido em 25 de março de 2018; aceito em 30 de julho de 2018

KEYWORDS

Allergic inflammation;
Atopic dermatitis;
Environment;
Mold;
Mycobiome;
Prenatal

Abstract

Objective: Mold exposure in early life may be associated with development of atopic dermatitis; however, studies of this link are inconclusive and evidence for the underlying mechanism(s) is lacking. This study identified the association between the time of mold exposure and development of atopic dermatitis and investigated the underlying mechanisms.

Method: The association between atopic dermatitis and mold exposure was examined in the Cohort for Childhood Origin of Asthma and Allergic Diseases birth cohort study ($n=1446$). Atopic dermatitis was diagnosed at 1 year of age by pediatric allergists. Exposure to mold was assessed by questionnaire. The Illumina MiSeq platform was used to examine the environmental mycobiome in 20 randomly selected healthy infants and 20 infants with atopic dermatitis at 36 weeks of gestation.

DOI se refere ao artigo:

<https://doi.org/10.1016/j.jped.2018.07.012>

[☆] Como citar este artigo: Lee E, Choi KY, Kang M-J, Lee S-Y, Yoon J, Cho H-J, et al. Prenatal mold exposure is associated with development of atopic dermatitis in infants through allergic inflammation. J Pediatr (Rio J). 2020;96:125-31.

* Autor para correspondência.

E-mail: sjhong@amc.seoul.kr (S. Hong).

Results: Prenatal, but not postnatal, mold exposure was significantly associated with atopic dermatitis (adjusted odds ratio, 1.36; 95% confidence interval, 1.01-1.83). Levels of total serum IgE at 1 year of age were higher in infants with atopic dermatitis exposed to mold during pregnancy than in healthy infants not exposed to mold during pregnancy ($p=0.021$). The relative abundance of uncultured Ascomycota was higher in infants with atopic dermatitis than in healthy infants. The relative abundance of uncultured Ascomycota correlated with total serum IgE levels at 1 year of age ($r=0.613$, $p<0.001$).

Conclusion: Indoor mold exposure during the fetal period is associated with development of atopic dermatitis via IgE-mediated allergic inflammation. Avoidance of mold exposure during this critical period might prevent the development of atopic dermatitis.

© 2018 Published by Elsevier Editora Ltda. on behalf of Sociedade Brasileira de Pediatria. This is an open access article under the CC BY-NC-ND license (<http://creativecommons.org/licenses/by-nc-nd/4.0/>).

PALAVRAS-CHAVE

Reação alérgica;
Dermatite atópica;
Ambiente;
Mofo;
Microbioma;
Pré-natal

Exposição pré-natal a mofo está associada ao desenvolvimento de dermatite atópica em neonatos por reação alérgica

Resumo

Objetivo: A exposição ao mofo no início da vida pode estar associada ao desenvolvimento de dermatite atópica; contudo, os estudos sobre esse vínculo são inconclusivos e faltam evidências dos mecanismos subjacentes. Identificamos a associação entre o momento da exposição ao mofo e o desenvolvimento de dermatite atópica e investigamos os mecanismos subjacentes.

Método: A associação entre dermatite atópica e exposição a mofo foi examinada em um estudo de coorte de nascimento da Origem da Asma e de Doenças Alérgicas em Crianças (COCOA) ($n=1446$). A dermatite atópica foi diagnosticada em pacientes com um ano de vida por pediatras alergistas. A exposição ao mofo foi avaliada por um questionário. A plataforma Illumina MiSeq foi utilizada para examinar o microbioma ambiental em 20 neonatos saudáveis escolhidos aleatoriamente e 20 com dermatite atópica a 36 semanas de gestação.

Resultados: A exposição pré-natal, porém não pós-natal, ao mofo foi significativamente associada à dermatite atópica (razão de chances ajustada, 1,36; intervalo de confiança de 95%, 1,01-1,83). Os níveis séricos totais de Imunoglobulina E (IgE) no primeiro ano de vida foram maiores em neonatos com dermatite atópica expostos a mofo durante a gravidez do que em neonatos não expostos a mofo durante a gravidez ($p=0,021$). A abundância relativa de *Ascomycota* não cultivado foi maior em neonatos com dermatite atópica do que em neonatos saudáveis. A abundância relativa de *Ascomycota* não cultivado correlacionou-se com os níveis séricos totais de IgE no primeiro ano de vida ($r=0,613$, $p<0,001$).

Conclusão: A exposição ao mofo no ambiente domiciliar durante a gravidez está associada ao desenvolvimento de dermatite atópica por meio de reação alérgica mediada por IgE. A prevenção à exposição ao mofo durante o período crítico da gravidez pode prevenir o desenvolvimento de dermatite atópica.

© 2018 Publicado por Elsevier Editora Ltda. em nome de Sociedade Brasileira de Pediatria. Este é um artigo Open Access sob uma licença CC BY-NC-ND (<http://creativecommons.org/licenses/by-nc-nd/4.0/>).

Introdução

A prevalência de dermatite atópica (DA) apresentou aumento de acordo com a região e a situação socioeconômica.¹⁻³ Inúmeros fatores ambientais podem contribuir para o aumento de DA, ao passo que uma dieta saudável e a aplicação de emolientes podem desempenhar um papel na prevenção.⁴

Entre diversos fatores ambientais, a exposição ao mofo durante o início da vida é um fator de risco potencial para o desenvolvimento de doenças alérgicas, inclusive a DA, embora os estudos sejam inconclusivos.^{5,6} Os resultados inconsistentes podem ser atribuídos ao menos em parte a diferenças no momento da exposição ao mofo. Semelhantemente à exposição a bactérias,⁷ a exposição ao mofo,

especialmente durante períodos críticos da gestação, pode desempenhar um papel na formação do sistema imunológico, afeta, assim, o desenvolvimento da DA. Estudos anteriores da associação entre a exposição ao mofo e o desenvolvimento de DA tiveram como foco o efeito do microbioma da pele, inclusive de espécies *Malassezia*, na DA.⁸ Entretanto, não existem muitos estudos da associação entre a exposição ao mofo ambiental e a DA e os efeitos imunomodulatórios da exposição ao mofo continuam pouco conhecidos.

Portanto, o objetivo deste estudo foi examinar a associação entre o momento da exposição ao mofo e o desenvolvimento de DA e investigar os mecanismos subjacentes à relação entre a exposição ao mofo no ambiente domiciliar, especialmente nos períodos críticos da gestação, e o desenvolvimento de DA.

Tabela 1 Características demográficas da população estudada

Variável	N (%) ou média ± DP
Número	1446
Idade da mãe (anos)	33,04 ± 3,54
<i>Histórico de doenças alérgicas dos pais</i>	
Não	1160 (70,2)
Sim	492 (29,8)
<i>Estação do nascimento</i>	
Primavera	314 (21,7)
Verão	327 (22,6)
Outono	360 (24,9)
Inverno	445 (30,8)
<i>Nível de escolaridade da mãe</i>	
≤ Ensino Médio	76 (5,3)
≤ Universidade	1053 (72,8)
≥ Pós-Graduação	316 (21,9)
<i>Gênero da criança</i>	
Menino	685 (47,4)
Menina	761 (52,6)
Idade gestacional (semanas)	39,18 ± 1,20

DP, desvio padrão.

Material e métodos

População estudada

O estudo foi feito de novembro de 2008 a dezembro de 2015 como parte do estudo de coorte de nascimento prospectivo da Origem da Asma e de Doenças Alérgicas em Crianças (Cocoa).⁹ A DA em neonatos com um ano de vida foi diagnosticada por pediatras alergistas com os critérios de Hanifin e Rajka.¹⁰ O Índice da Pontuação de Dermatite Atópica (Scorad), que é um índice combinado que reflete a extensão, a gravidade e os sintomas da AD, foi avaliado em recém-nascidos com DA.¹¹ O protocolo do estudo foi aprovado pelo Conselho de Revisão Institucional (IRB) do Centro Médico de Asan. O consentimento informado foi fornecido pelos pais de cada neonato e confirmado pelo IRB.

Questionários

Para investigar a presença de manchas úmidas visíveis e mofo nas casas dos participantes, pedimos aos pais que preenchessem um questionário com 36 semanas de gestão e aos seis meses. A cada visita de acompanhamento, os pais eram perguntados “Vocês encontraram manchas úmidas e mofos na casa de vocês?”^{12,13}

Amostragem e análise de mofo dentro das casas

Com 36 semanas de gestão, foram coletadas, de todos os participantes do estudo de coorte de nascimento Cocoa, amostras de poeira do quarto em que a mulher grávida passava a maior parte do tempo, por meio de um aspirador de pó (Electrolux®, Estocolmo, Suécia). As amostras foram colhidas no mesmo horário do dia e congeladas imediatamente a -70 °C. Foi analisado o microbioma de 20 neonatos saudáveis escolhidos aleatoriamente e 20 neonatos com DA

que participavam do estudo prospectivo Cocoa. O DNA do fungo foi extraído por meio do kit para solo FastDNA SPIN (Qbiogene, MP Biomedicals, Illkirch, França). A análise dos microbiomas ambientais na 36^a semana de gestão foi feita por meio da plataforma Illumina MiSeq (Illumina®, CA, EUA). A diversidade e a composição do microbioma dos dois grupos foram então comparadas.

Medição dos níveis séricos totais de IgE

A IgE sérica total a um ano de idade foi medida em todos os participantes por meio de amostras de sangue, com o sistema ImmunoCAP (ThermoFisher, Uppsala, Suécia). O menor limite de detecção foi de 2 KU/L.¹⁴

Análise de dados

Foram avaliadas relações significativas por meio de um modelo de regressão logística ajustado à idade da mãe, ao índice de massa corporal da mãe, ao nível de escolaridade materna, ao sexo, ao histórico de doenças alérgicas dos pais e à estação do nascimento. Para identificar o efeito da exposição ao mofo na gravidez, os dados foram ajustados à exposição ao mofo na infância e para identificar o efeito da exposição ao mofo na gravidez os dados foram ajustados à exposição ao mofo na infância. As relações entre os biomarcadores e a abundância relativa de um mofo específico foram analisadas por meio de testes de correlação Pearson. Os dados foram analisados com o software SPSS versão 21.0 (SPSS Inc., Chicago, IL, EUA). Um valor de *P* de 0,05 ou menos foi considerado significativo.

Resultados

Associação entre exposição a mofo e desenvolvimento de DA, de acordo com o momento da exposição

A exposição pré-natal a mofo foi associada a um risco mais elevado de DA no primeiro ano de vida (razão de chances ajustada [aOR], 1,36; intervalo de confiança de [IC de 95%], 1,01-1,83), mesmo quando os dados foram ajustados à exposição pós-natal a mofo (tabela 2). Não houve associação entre o risco de DA e a exposição a mofo durante o primeiro ano de vida (aOR, 0,83; IC de 95%, 0,61-1,13), mesmo após o ajuste para exposição a mofo durante o período pré-natal.

Características dos recém-nascidos e dados do microbioma

As características dos neonatos e os dados do microbioma ambiental durante a gravidez são apresentados na tabela 3. Com relação aos 20 recém-nascidos com DA, o índice Scorad no primeiro ano de vida foi de 14,37 ± 18,91. O percentual de eosinófilos no sangue do cordão umbilical foi significativamente maior em recém-nascidos com DA do que em neonatos saudáveis. Não houve diferença significativa entre os grupos em termos de histórico familiar de doenças alérgicas.

Tabela 2 Associação entre a exposição a mofo e a DA relatada pelos pais e diagnosticada por um médico no primeiro ano de vida, de acordo com o momento da exposição

Momento da exposição ao mofo		DA, n (%)	Razão de chances (OR) (Intervalo de confiança de 95%)	DA, n (%)	Razão de chances ajustada (aOR) ^a (Intervalo de confiança de 95%)	DA, n (%)	aOR ^b
Durante a gravidez	(-)	186/1065 (17,5)	1	179/1016 (17,6)	1	179/1016 (17,6)	1 (ref.)
	(+)	85/381 (22,3)	1,36 (1,02–1,81)	83/369 (22,5)	1,36 (1,01–1,83)	83/369 (22,5)	1,36 (1,01–1,83)
Durante os primeiros 6 meses de vida	(-)	187/921 (20,3)	1	178/871 (20,4)	1	178/871 (20,4)	1 (ref.)
	(+)	73/421 (17,3)	0,82 (0,61–1,11)	72/407 (17,7)	0,83 (0,61–1,13)	72/407 (17,7)	0,83 (0,61–1,13)

Os dados são apresentados em "n" ou "%". DA, dermatite atópica.

A significância em negrito significa que o risco de DA estava aumentado em lactentes com exposição ao mofo durante o período pré-natal, em comparação com aqueles sem exposição ao mofo durante o mesmo período, utilizando-se um modelo de regressão logística.

^a Ajustada à idade da mãe, ao índice de massa corporal da mãe, ao nível de escolaridade materna, ao gênero da criança, ao histórico de doenças alérgicas dos pais e à estação do nascimento.

^b Ajustada à idade da mãe, ao índice de massa corporal da mãe, ao nível de escolaridade materna, ao gênero da criança, ao histórico de doenças alérgicas dos pais, à estação do nascimento, e à exposição pré-natal e pós-natal a mofo.

Comparação dos níveis séricos totais de IgE no primeiro ano de vida

Os níveis séricos totais de IgE foram significativamente maior em neonatos com DA expostos a mofo durante a gravidez do que em recém-nascidos saudáveis não expostos a mofo ($124,96 \pm 413,82$ kU/L em comparação com $58,71 \pm 126,25$ kU/L; $p = 0,021$) (fig. 1A). Mesmo em neonatos com DA, a IgE sérica total estava menor nos recém-nascidos que não foram expostos a mofo durante a gravidez ($64,98 \pm 197,99$ kU/L em comparação com $124,96 \pm 413,82$ kU/L), embora a diferença não seja significativa. Os níveis séricos totais de IgE transformados em logaritmo no primeiro ano de vida de neonatos com DA correlacionam-se com o índice Scord no primeiro ano de vida ($r = 0,186$, $p = 0,018$) (fig. 1B).

Comparação dos dados do microbioma entre neonatos com DA e os saudáveis

Não houve diferenças significativas na diversidade e no nível de abundância (Chao1, unidades taxonômicas operacionais) com relação ao microbioma nas 36 semanas de gestação entre os 20 neonatos saudáveis e os com DA (não constam os dados). A abundância relativa das espécies de *Ascomycota* não cultivadas foi maior em neonatos com DA ($149,75\% \pm 506,51\%$) do que em recém-nascidos saudáveis ($60,82\% \pm 81,83\%$).

A abundância relativa das espécies de *Ascomycota* não cultivadas correlaciona-se com os níveis séricos totais de IgE no primeiro ano de vida ($r = 0,613$, $P < 0,001$, figura 1C), porém não com o índice Scord, em todos os participantes e em neonatos com DA.

Discussão

Neste artigo, demonstramos que a exposição a mofo durante o período pré-natal está associada a um risco maior de DA em neonatos que participaram de um estudo de coorte de nascimento prospectivo (Cocoa); a exposição ao

mofo durante o período pós-natal não foi associada ao desenvolvimento de DA. Os níveis séricos totais de IgE em neonatos com DA expostos a mofo durante o período pré-natal foram maiores do que nos recém-nascidos saudáveis que não foram expostos a mofo durante o período de gestação; esse fato foi verificado mesmo em neonatos com DA que não foram expostos a mofo. A abundância relativa no ambiente domiciliar e durante a gravidez de espécies de *Ascomycota* não cultivadas foi maior nos casos de neonatos com DA do que nas casas de neonatos saudáveis e correlacionou-se com os níveis séricos totais de IgE no primeiro ano de vida. Esse fato sugere que a exposição a níveis mais altos de *Ascomycota* no ambiente domiciliar durante o período pré-natal pode contribuir para o desenvolvimento de DA no início da vida por meio de reação alérgica mediada por IgE. Assim, evitar ou limitar a exposição ao microbioma ambiental durante períodos críticos do desenvolvimento pode ajudar a prevenir o desenvolvimento de DA no início da vida.

Embora a fisiopatologia da DA não seja completamente entendida, defeitos na barreira cutânea, respostas imunológicas disfuncionais e fatores ambientais são considerados as principais causas.¹⁵ A disbiose, a colonização da pele por microbiomas específicos, a inflamação por fungos associada à DA¹⁶ e a interação entre o hospedeiro e o microbioma podem agir como um imunomodulador.¹⁷ Os resultados deste estudo sugerem que a exposição ao microbioma ambiental, especialmente durante os períodos críticos de desenvolvimento, afeta o desenvolvimento de DA.

Poucos estudos examinaram os mecanismos subjacentes à associação entre o microbioma ambiental e a DA, ou o efeito dos componentes específicos do microbioma na patogênese da DA, embora o microbioma seja um importante componente do ambiente humano.^{12,18} Estudos anteriores em pacientes com DA tiveram como foco principal o mofo agindo como um aeroalérgeno durante o desenvolvimento de doenças alérgicas respiratórias e a inflamação da pele relacionada à colonização por fungos específicos, como as espécies *Malassezia*.^{8,19} Os mecanismos subjacentes à indução da DA por mofo podem incluir a sensibilização ao mofo ou o encadeamento de respostas imunológicas direcionadas contra componentes específicos do microbioma.

Tabela 3 Características dos dados da população estudada e do microbioma

Variável	Neonatos saudáveis (n = 20)	Neonatos com DA (n = 20)	P valor ^a
Idade gestacional (semanas)	$39,18 \pm 1,22$	$39,53 \pm 1,06$	0,339
Sexo masculino, n (%)	10/20 (50,0)	12/20 (60,0)	0,525
Peso ao nascer, media ± DP (g)	$3088,33 \pm 264,63$	$3043,58 \pm 849,39$	0,832
Índice Scorad	NA	$14,37 \pm 18,91$	NA
Histórico de doenças alérgicas dos pais [sim, n (%)]	12/20 (60,0)	12/19 (63,2)	0,839
Eosinófilos no sangue do cordão umbilical (%)	$2,53 \pm 1,60$	$4,20 \pm 1,32$	0,011
Nível sérico total de IgE no sangue do cordão umbilical transformado em logaritmo, média ± DP (kU/L)	$-2,02 \pm 0,34$	$-1,24 \pm 0,89$	0,012
Nível sérico total de IgE no primeiro ano de vida transformado em logaritmo, média ± DP (kU/L)	$1,11 \pm 0,51$	$1,43 \pm 0,56$	0,077

DA, dermatite atópica; DP, desvio padrão; n, número; NA, não aplicável; Scorad, Pontuação da Dermatite Atópica.

Os níveis de eosinófilos no sangue do cordão umbilical (%) e os níveis séricos log-transformados de IgE total no sangue do cordão umbilical estavam aumentados significativamente em lactentes com DA em comparação com lactentes saudáveis e são indicados em negrito.

^a Teste U de Mann-Whitney.

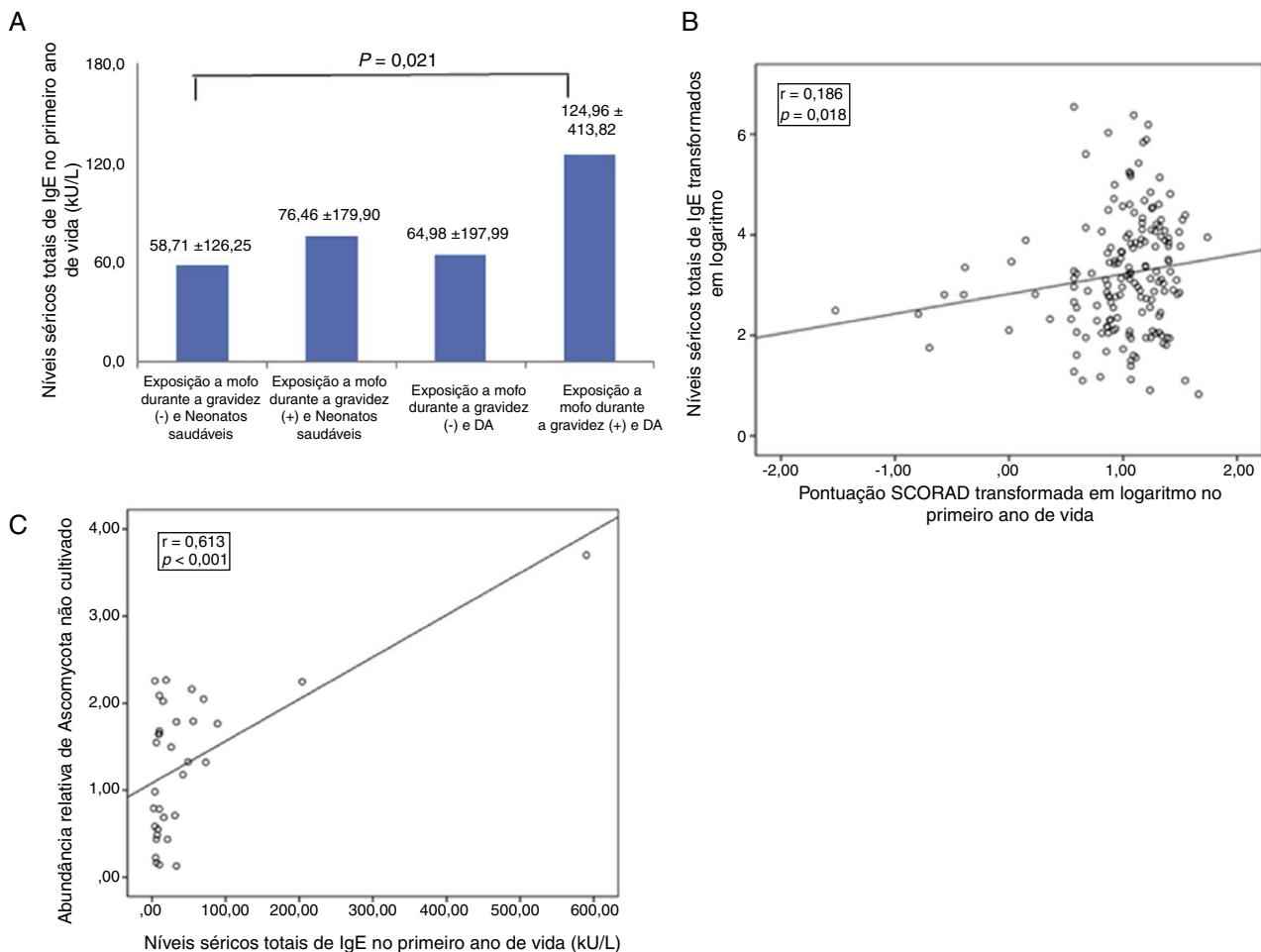


Figura 1 A, associação entre os níveis séricos totais de IgE, de acordo com a exposição a mofo durante a gravidez, e a dermatite atópica. Os dados são expressos como a média ± desvio padrão; B, correlação entre o índice de Scorad transformado em logaritmo no primeiro ano de vida e os níveis séricos totais de IgE transformados em logaritmo; C, correlação entre a abundância relativa de espécies do filo Ascomycota não cultivadas encontradas no ambiente com 36 semanas de gestação e os níveis séricos totais de IgE no primeiro ano de vida.

Entretanto, poucos estudos, especialmente os estratificados de acordo com o momento da exposição, examinaram a associação entre a exposição ao mofo ambiental e a DA; assim, os mecanismos subjacentes permanecem desconhecidos.

O resultado deste estudo sugere que a exposição ao mofo encontrado no ambiente domiciliar durante o período pré-natal pode afetar o desenvolvimento de DA por imunomodulação, possivelmente por meio de uma reação alérgica relacionada à IgE. Essa hipótese é embasada na constatação de níveis séricos totais de IgE mais elevados em neonatos com DA expostos a mofo durante o período pré-natal do que em recém-nascidos com DA que não foram expostos. Além disso, relatamos anteriormente que a exposição a mofo durante a infância está associada a maiores níveis séricos totais de IgE,¹³ embora os mecanismos subjacentes não tenham sido identificados. Os resultados de nosso estudo e de estudos anteriores sugerem que a exposição a mofo no início da vida pode induzir a reação alérgica mediada por IgE; contudo, não encontramos correlação significativa entre a gravidade da DA e a abundância relativa de *Ascomycota* não cultivado ($r=0,347$, $p=0,399$, não constam os dados). Esse fato sugere uma função dos componentes específicos do microbioma como indutores de reação alérgica por IgE no desenvolvimento de DA. São necessários estudos adicionais a fim de identificar os mecanismos subjacentes à associação entre a exposição ao mofo durante o período da gestação e o desenvolvimento de DA no início da vida.

A exposição a fatores ambientais durante o período pré-natal pode afetar o desenvolvimento do sistema imunológico.²⁰ O estresse pré-natal da mãe e vários fatores ambientais podem causar mudanças na expressão genética por meio de mecanismos epigenéticos, especialmente durante períodos críticos do desenvolvimento, e afetar, assim, o desenvolvimento e a diferenciação do sistema imunológico.²⁰⁻²² A própria exposição ao mofo pode causar respostas imunológicas alérgicas e os componentes do mofo, como as proteases, podem irritar a pele ou agir como indutores de reação alérgica por via aérea.^{23,24} Com base nas constatações acima, a alteração da resposta imunológica materna devido à exposição a mofo durante a gravidez pode afetar o desenvolvimento do sistema imunológico dos filhos e, assim, pode estar relacionada ao desenvolvimento de DA em neonatos.²⁵ Neste estudo, não encontramos diferenças significativas na diversidade do microbioma entre neonatos saudáveis e com DA durante o período pré-natal; contudo, essa abundância relativa de fungos específicos, como do *Ascomycota* não cultivado, no ambiente domiciliar durante os períodos pré-natais foi maior em recém-nascidos com DA do que em neonatos saudáveis. Os resultados deste estudo sugerem que a exposição a componentes específicos do microbioma, em vez do próprio mofo, especialmente durante períodos críticos do desenvolvimento, pode estar associada ao desenvolvimento de DA durante a infância. São necessários estudos adicionais em grande escala a fim de confirmar esses resultados.

Um componente proteico do *Ascomycota* pode se ligar aos ARNm e modulá-los.²⁶ Além disso, polissacáideos fúngicos, inclusive os provenientes do filo *Ascomycota*, podem induzir a produção de radicais livres e a produção de citocinas associadas à inflamação.²⁷ Em um estudo anterior, demonstramos que a exposição a mofo estava associada ao desenvolvimento de DA pela produção, por meio da citocina Th2, de espécies reativas de oxigênio (ERO).¹² Desequilíbrios na produção de ERO também podem afetar a expressão genética.²⁸ Em conjunto, esses resultados

sugerem que a exposição a mofo em ambiente domiciliar, inclusive o *Ascomycota*, durante o período pré-natal pode afetar o desenvolvimento de DA por meio de efeitos imunomodeladores.¹³

Este estudo tem algumas limitações. Primeiramente, a exposição a mofo foi determinada por meio de um questionário do estudo de coorte de nascimento prospectivo (Cocoa). Entretanto, um estudo anterior demonstrou que determinar a exposição ao mofo por meio de um questionário ou pela medição do total de esporos encontrados no ar gera resultados semelhantes.²⁹ Em segundo, as análises de microbiomas encontrados em ambiente domiciliar foram limitadas pelo pequeno tamanho da amostra; contudo, foi possível identificar uma associação entre componentes específicos do microbioma e reação alérgica. O ponto forte do estudo é sua qualificação como estudo de coorte de nascimento prospectivo geral de base populacional. Os dados ajudarão a determinar o papel da exposição ao mofo no ambiente domiciliar durante períodos críticos no desenvolvimento de doenças alérgicas, inclusive a DA. Por fim, a exposição a mofo em ambiente domiciliar durante o período da gestação está associada ao desenvolvimento de DA no início da vida, possivelmente por meio da reação alérgica mediada por IgE. Portanto, evitar ou limitar a exposição ao mofo durante o período pré-natal pode ajudar a prevenir a DA na infância.

Financiamento

Este estudo foi financiado pelo projeto coreano de P&D de tecnologia na área da saúde do Ministério da Saúde e Bem-Estar, Coreia do Sul (bolsa nº HI13C16740000), e pela Pesquisa do Centro de Controle e Prevenção de Doenças da Coreia do Sul (2008-E33030-00, 2009-E33033-00, 2011-E33021-00, 2012-E33012-00, 2013-E51003-00, e 2014-E51004-00).

Conflitos de interesse

Os autores declaram não haver conflitos de interesse.

Referências

1. Asher MI, Montefort S, Bjorksten B, Lai CK, Strachan DP, Weiland SK, et al. Worldwide time trends in the prevalence of symptoms of asthma, allergic rhinoconjunctivitis, and eczema in childhood: ISAAC phases one and three repeat multicountry cross-sectional surveys. Lancet. 2006;368:733-43.
2. Kim YH, Lee E, Cho HJ, Yang SI, Jung YH, Kim HY, et al. Association between menarche and increased bronchial hyper-responsiveness during puberty in female children and adolescents. Pediatr Pulmonol. 2016;51:1040-7.
3. Williams H, Stewart A, von Mutius E, Cookson W, Anderson HR. International Study of Asthma and Allergies in Childhood (ISAAC) Phase One and Three Study Groups. Is eczema really on the increase worldwide? J Allergy Clin Immunol. 2008;121:947-54, e15.
4. Horimukai K, Morita K, Narita M, Kondo M, Kitazawa H, Nozaki M, et al. Application of moisturizer to neonates prevents development of atopic dermatitis. J Allergy Clin Immunol. 2014;134:824-30, e6.
5. Lee JY, Seo JH, Kwon JW, Yu J, Kim BJ, Lee SY, et al. Exposure to gene-environment interactions before 1 year of age may favor the development of atopic dermatitis. Int Arch Allergy Immunol. 2012;157:363-71.

6. Kim WK, Kwon JW, Seo JH, Kim HY, Yu J, Kim BJ, et al. Interaction between IL13 genotype and environmental factors in the risk for allergic rhinitis in Korean children. *J Allergy Clin Immunol.* 2012;130:421–6, e5.
7. Bjorksten B, Sepp E, Julge K, Voor T, Mikelsaar M. Allergy development and the intestinal microflora during the first year of life. *J Allergy Clin Immunol.* 2001;108:516–20.
8. Harada K, Saito M, Sugita T, Tsuboi R. *Malassezia* species and their associated skin diseases. *J Dermatol.* 2015;42:250–7.
9. Yang HJ, Lee SY, Suh DI, Shin YH, Kim BJ, Seo JH, et al. The cohort for childhood origin of asthma and allergic diseases (Cocoa) study: design, rationale and methods. *BMC Pulm Med.* 2014;14:109.
10. Weidinger S, Novak N. Atopic dermatitis. *Lancet.* 2016;387:1109–22.
11. Kunz B, Oranje AP, Labreze L, Stalder JF, Ring J, Taieb A. Clinical validation and guidelines for the Scorad index: consensus report of the European task force on atopic dermatitis. *Dermatology.* 1997;195:10–9.
12. Kim HJ, Lee E, Lee SH, Kang MJ, Hong SJ. Mold elicits atopic dermatitis by reactive oxygen species: epidemiology and mechanism studies. *Clin Immunol.* 2015;161:384–90.
13. Yu HS, Kang MJ, Kwon JW, Lee SY, Lee E, Yang SI, et al. Claudin-1 polymorphism modifies the effect of mold exposure on the development of atopic dermatitis and production of IgE. *J Allergy Clin Immunol.* 2015;135:827–30, e5.
14. Kim HB, Ahn KM, Kim KW, Shin YH, Yu J, Seo JH, et al. Cord blood cellular proliferative response as a predictive factor for atopic dermatitis at 12 months. *J Korean Med Sci.* 2012;27: 1320–6.
15. Nomura T, Kabashima K. Advances in atopic dermatitis in 2015. *J Allergy Clin Immunol.* 2016;138:1548–55.
16. Kobayashi T, Glatz M, Horiuchi K, Kawasaki H, Akiyama H, Kaplan DH, et al. Dysbiosis and *Staphylococcus aureus* colonization drives inflammation in atopic dermatitis. *Immunity.* 2015;42:756–66.
17. Kinross JM, Darzi AW, Nicholson JK. Gut microbiome-host interactions in health and disease. *Genome Med.* 2011;3:14.
18. Cui L, Morris A, Ghedin E. The human mycobiome in health and disease. *Genome Med.* 2013;5:63.
19. Mendell MJ, Mirer AG, Cheung K, Tong M, Douwes J. Respiratory and allergic health effects of dampness, mold, and dampness-related agents: a review of the epidemiologic evidence. *Environ Health Perspect.* 2011;119:748–56.
20. Prescott S, Saffery R. The role of epigenetic dysregulation in the epidemic of allergic disease. *Clin Epigenet.* 2011;2:223–32.
21. Nemoda Z, Szyf M. Epigenetic alterations and prenatal maternal depression. *Birth Defects Res.* 2017;109:888–97.
22. Nye MD, Fry RC, Hoyo C, Murphy SK. Investigating epigenetic effects of prenatal exposure to toxic metals in newborns: challenges and benefits. *Med Epigenet.* 2014;2:53–9.
23. Bush RK, Portnoy JM, Saxon A, Terr AI, Wood RA. The medical effects of mold exposure. *J Allergy Clin Immunol.* 2006;117:326–33.
24. Porter P, Susarla SC, Polikepahad S, Qian Y, Hampton J, Kiss A, et al. Link between allergic asthma and airway mucosal infection suggested by proteinase-secreting household fungi. *Mucosal Immunol.* 2009;2:504–17.
25. Hinz D, Bauer M, Roder S, Olek S, Huehn J, Sack U, et al. Cord blood Tregs with stable FOXP3 expression are influenced by prenatal environment and associated with atopic dermatitis at the age of one year. *Allergy.* 2012;67:380–9.
26. Wilinski D, Qiu C, Lapointe CP, Nevil M, Campbell ZT, Tanaka Hall TM, et al. RNA regulatory networks diversified through curvature of the PUF protein scaffold. *Nat Commun.* 2015;6: 8213.
27. Osinska-Jaroszuk M, Jarosz-Wilkolazka A, Jaroszuk-Scisel J, Szalapata K, Nowak A, Jaszek M, et al. Extracellular polysaccharides from *Ascomycota* and *Basidiomycota*: production conditions, biochemical characteristics, and biological properties. *World J Microbiol Biotechnol.* 2015;31: 1823–44.
28. Dalton TP, Shertzer HG, Puga A. Regulation of gene expression by reactive oxygen. *Annu Rev Pharmacol Toxicol.* 1999;39:67–101.
29. Belanger K, Beckett W, Triche E, Bracken MB, Holford T, Ren P, et al. Symptoms of wheeze and persistent cough in the first year of life: associations with indoor allergens, air contaminants, and maternal history of asthma. *Am J Epidemiol.* 2003; 158:195–202.